

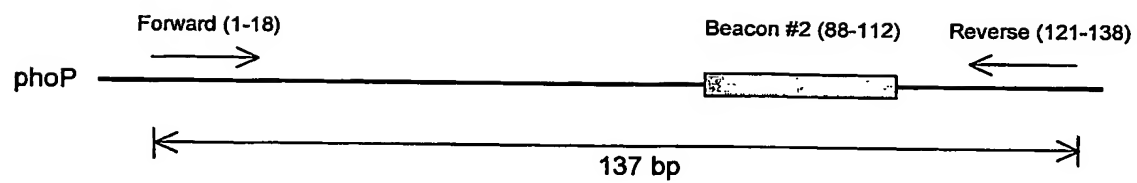
1 B.halodu : GTGACGTTATTGCAATTTAATCTTGAACAGTCAGGCTACGAGGTGTCGACAGCAATGGATGGAGC-TTCTGGGCTACAAC : 80  
 2 B.subtil : GTTACTCTTTTACAGTACAATTTGGAACGGTCAGGCTATGATGTCATTACCGCCTCGGATGGGA-AGAAGCACTCAAAAA : 80  
 3 C.acetob : TCAAAATTTGATAAAGTTAAATTTAAATATGGCGGATATATAAGTGAAGCTGTGTATATGTTGA-AGCTGCACTGGACTT : 80  
 4 E.coli : CGTCAACACCTTAAAGTTTCAAGTTCAGGATGCTGGTCATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 5 E.coli : CGTCAACACCTTAAAGTTTCAAGTTCAGGATGCTGGTCATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 6 E.coli : CGTCAACACCTTAAAGTTTCAAGTTCAGGATGCTGGTCATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 7 E.coli : CGTCAACACCTTAAAGTTTCAAGTTCAGGATGCTGGTCATCAGGTCGATGACGCAGAAGATGCCAA-AGAAGCCGATTATTA : 80  
 8 L.innoc : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGATGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 9 L.innoc : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGATGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 10 L.mono : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGATGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 11 L.mono : GTTACCTTGTGCAATTTAATATTGAAAAAGCTGGGTTTGGATGATGTCACAGCTGAAGATGGTAG-AACTGGGTACGAACT : 80  
 12 M.lepr : GTCGAACCGCTCTAGGTGA-CATCAAATTCAGGGCTTTTAGGTCTACACCGCGACCAACGGGGC-ACAGCGCTGGATCG : 80  
 13 M.tube : GTTGAACCTGCTGCGGTGAGCCTCAAGTTCAGGGCTTTTAGGTCTACACCGCGACCAACGGGGC-ACAGCGCTGGATCG : 80  
 14 P.aerug : CGCCACCACCTCTATACCGCGCTGGGTGAACAGGGGACGTCGTCGACGCGGTACCGGATGCCGA-GGAAGCCCTCTACCG : 80  
 15 S.typhi : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 16 S.typhi : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 17 S.enter : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 18 S.enter : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 19 S.typh : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 20 S.typh : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 21 S.typhi : CGCCACCACCTGAAGGTTTCAAGTTCAGGTCGATGCGCGAGAAGATGCCAG-GGAAGCTGATTACTA : 80  
 22 S.aureu : GTAACATTAATAATAAATACTAGAAACAGCTGGTTATGAAGTTGTTGTCGCAATTTGATGGTGA-TGAGGCTTTAGAAAA : 80  
 23 S.aureu : GTAACATTAATAATAAATACTAGAAACAGCTGGTTATGAAGTTGTTGTCGCAATTTGATGGTGA-TGAGGCTTTAGAAAA : 80  
 24 S.pneu : CTGAATTTGCTTGACTACCATTTAAGTAAGGAAGGCTTTTCTACTCAATTTGGTGACAAATGGACG-GAAGGCTTTAGCTTT : 80  
 25 Y.pseud : CGTCACCATCTGACAGTGCAAAATGCGTGAATGGGCCATCAGGTTGATGCCGCGGAAGATGCTAA-AGAAGCAGACTATTT : 80  
 26 Y.pesti : CGTCACCATCTGACAGTGCAAAATGCGTGAATGGGCCATCAGGTTGATGCCGCGGAAGATGCTAA-AGAAGCAGACTATTT : 80  
 27 Y.pesti : CGTCACCATCTGACAGTGCAAAATGCGTGAATGGGCCATCAGGTTGATGCCGCGGAAGATGCTAA-AGAAGCAGACTATTT : 80  
 28 Y.pseud : CGTCACCATCTGACAGTGCAAAATGCGTGAATGGGCCATCAGGTTGATGCCGCGGAAGATGCTAA-AGAAGCAGACTATTT : 80

ct a t a t a a GG a gt g Gc gAtG gc a

1 B.halodu : AGCTAAGACGCAACCGTTCGATCTTATTTATTTAGACCTCATGTTACCTGAAATGGATGGACTCGATGTATTAACAAC : 160  
 2 B.subtil : AGCGGAAACAGAGAAACCTGATTTGATTTGCTTGATGTGCTTCCAAAATTTGGACGGAATCGAAGTATGCAAGCAGC : 160  
 3 C.acetob : AATTGAAGGTAGAAATTTTATTTAATACTTTTACACATAATGCTGCCATAAATAGATGGTTTGTAGTCTATTTCAAAAAA : 160  
 4 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 5 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 6 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 7 E.coli : TCTCAATGAACATATACCGGATATTGCGATTGTCGATCTCGGATTGCCAGACGAGGACGGTCTGTCACTGATTCCGCGCT : 160  
 8 L.innoc : TGCTCTATCGGAAAAACAGATTTAATTTGACTTGAATTTAATGCTTCTGAAATGGACGGAATGAAGTAACGAAAAAAC : 160  
 9 L.innoc : TGCTCTATCGGAAAAACAGATTTAATTTGACTTGAATTTAATGCTTCTGAAATGGACGGAATGAAGTAACGAAAAAAC : 160  
 10 L.mono : CGCTTTGTCGAAAAACAGATTTAATTTGACTTGAATTTAATGCTTCTGAGATGGACGGAATCGAAGTAACAAAAAAC : 160  
 11 L.mono : CGCTTTGTCGAAAAACAGATTTAATTTGACTTGAATTTAATGCTTCTGAGATGGACGGAATCGAAGTAACAAAAAAC : 160  
 12 M.lepr : GGCTTCGTAGTGTCTCGGCGGACGCGGTGATCTTGGACGTGGTGATGCCGCGGATGGACGGCTTTCCGGGTGCTCGCTGGC : 160  
 13 M.tube : GGCCCGGGAACCCGCGGACGCGGTGATCTTGGACGTGGTGATGCCGCGGATGGACGGCTTTCCGGGTGCTCGCTGGC : 160  
 14 P.aerug : GGTCAAGCAATACCAACACGACCTGGCGGTGATCGACCTCGGCGTGGCGGATGAGCGGCTGGACCTGATCCGCGAGC : 160  
 15 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 16 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 17 S.enter : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 18 S.enter : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 19 S.typh : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 20 S.typh : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 21 S.typhi : CCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGCTTCTGCTGATGAAGACGGCCTTCCCTTAATACGCGCT : 160  
 22 S.aureu : GGTAGAAAGTGAACAGCCAGATTTAATTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 23 S.aureu : GGTAGAAAGTGAACAGCCAGATTTAATTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 24 S.pneu : GGCAGAAACAGAACCCCTTTGATTTTATTTAGATGTTATGCTACCTAAAAAAGATGGCATTGACGTATGTAAGACTG : 160  
 25 Y.pseud : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTGCT : 160  
 26 Y.pesti : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTGCT : 160  
 27 Y.pesti : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTGCT : 160  
 28 Y.pseud : CTTACAAGAGCATGCCCGGACATTTGCTATTATCGATCTTGGTTTGGCCGGTGAAGACGGGTTAAGCCTTATCCGTGCT : 160

a cc GA t T T Gat T T CC g gacGG T T

FIGURE 1

**FIGURE 2**

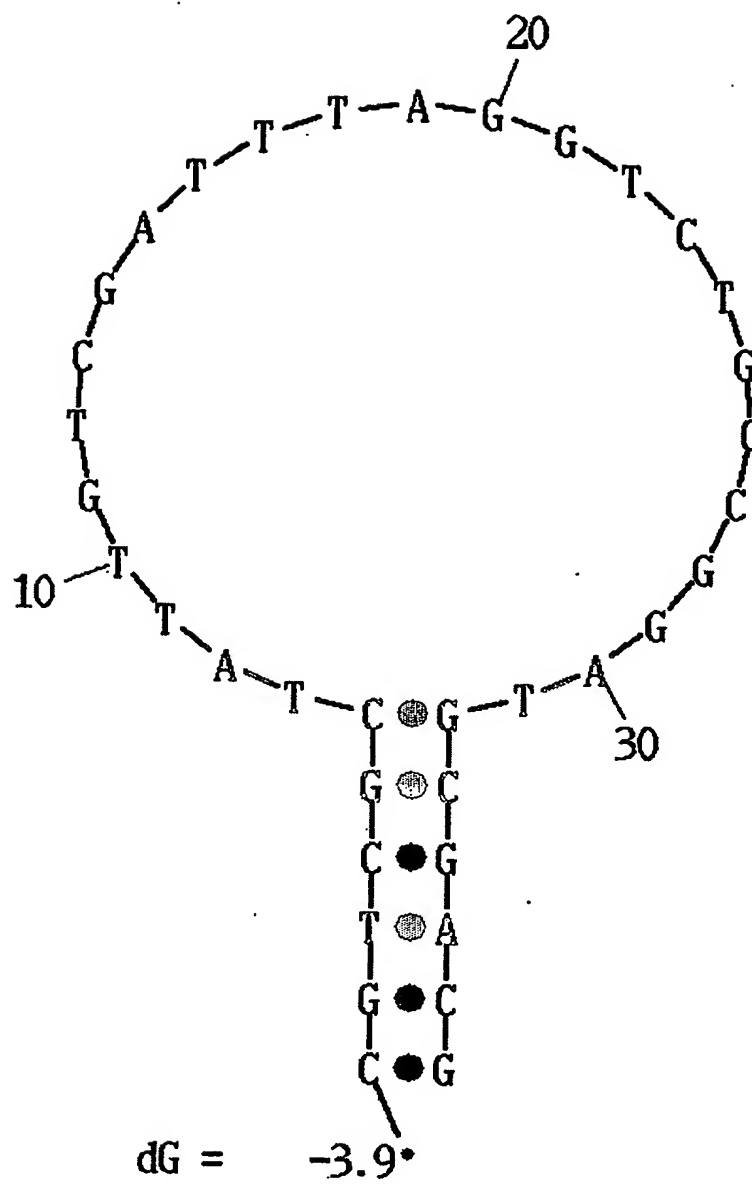


FIGURE 3

**A.**

GTGACTCTGGTCGACGAACTTAAATAATGCCTGCCTCACCTCTTTTCTTC  
AGAAAGAGGGTGACTATTTGTCTGGTTTATTAAGTGTATCCCCAAAGCA  
CCATAATCAACGCTAGACTGTTCTTATTGTAAACACAAGGGAGAAGAGAT  
GATGCGCGTACTGGTTGTAGAGGATAATGCATTATTACGCCACCACCTGA  
AGGTTTCAGCTCCAGGATTCAGGTCACCAGGTCGATGCCGCAGAAGATGCC  
AGGGAAGCTGATTACTACCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTC  
GATTTAGGTCTGCCGGATGAAGACGGCCTTTCCTTAATACGCCGCTGGCGC  
AGCAGTGATGTTTCACTGCCGGTTCTGGTGTTAACCGCGCGCGAAGGCTG  
GCAGGATAAAGTCGAGGTTCTCAGCTCCGGGGCCGATGACTACGTGACGA  
AGCCATTCCACATCGAAGAGGTAATGGCGCGTATGCAGGCGTTAATGCGC  
CGTAATAGCGGTCTGGCCTCCCAGGTGATCAACATCCCGCCGTTCCAGGT  
GGATCTCTCACGCCGGAATTATCCGTCAATGAAGAGGTCATCAAACCTCA  
CGGCGTTTGAATACACCATTATGGAAACGCTTATCCGTAACAACGGTAAA  
GTGGTCAGCAAAGATTGCTGATGCTTCAGCTGTATCCGGATGCGGAACT  
GCGGGAAAGTCATACCATTGATGTTCTCATGGGGCGTCTGCGGAAAAAAA  
TACAGGCCAGTATCCGCACGATGTCATTACCACCGTACGCGGACAAGGA  
TATCTTTTTGAATTGCGCTAATGAATAAATTTGCTCGCCATTTTCTGCGTGT  
CGCTGCGGGTTCGTTTTTTGCTGGCGACAGCCGGCGTCGTGCTGGTGCTTT  
CTTTGGCATATGGCATAGTGGCGCTGGTCGGCTATAGCGTAAGTTTTGATA  
AAACCACCTTTCGTTTGCTGCGCGGCGAAAGC

**B.**

CTCCAGGATTCAGGTCACCAGGTCGATGCCGCAGAAGATGCCAGGGAAGC  
TGATTACTACCTTAATGAACACCTTCCGGATATCGCTATTGTCGATTTAGG  
TCTGCCGGATGAAGACGGCCTTTCCTTAATACGCCG

**FIGURE 4**